



研究發現 便秘或與遺傳基因有關

香港大學李嘉誠醫學院內科學系的最新研究發現，機能性便秘是有家族集體性，一個人的家族中越多家屬有便秘問題，他們患上便秘的機會亦相應增加，由此顯示基因及家族環境因素有重要影響力。



撰文：
香港大學李嘉誠醫學院
內科學系
名譽臨床醫學副教授
陳安安醫生

背景

現時約有100萬香港人患上便秘，約佔總人口14%，發病率偏高。便秘一般分為機能性及器官性。前者通常再分類為腸蠕動緩慢型和肛門阻塞型。雖然有學者相信便秘與纖維及水份吸收不足有關，但其病原學成因仍然未

明。有孿生子研究指出基因控制對排便失調可能有效；最近亦有關於大腸易激綜合症的孿生子研究及家族集體性研究，顯示基因或社會習性因素都很可能對便秘問題有重要的影響。

故此，港大李嘉誠醫學院內科學系進行研究，評估機能性便

秘患者及對照組中家族性集體便秘的情況。

研究方法

二零零五年一月至六月期間，研究人員從香港大學教學醫院瑪麗醫院的便秘門診部招募132名便秘病人(便秘組)，他們都經過羅馬II型標準及用作診斷便秘的中文問卷評估，確診患有便秘。對照組是瑪麗醫院耳鼻喉科的114名病人，他們都年滿18歲，且經過羅馬II型標準及診斷便秘的中文問卷評估，並無便秘問題。

此外，677名來自便秘組以及591名來自對照組的直系家庭成員(父母、兄弟姊妹及子女)及配偶，亦被邀參加研究。他們都以羅馬II型標準及診斷便秘的中文問卷來評估便秘情況。

結果

便秘組和對照組在人口統計學上的資料相似，兩組人士的年齡(47.2 ± 12歲 vs 44.8 ± 14歲)、性別 [女性：82.6% (109人) vs 73.7% (84人)]、家庭成員填寫的問卷數目(5.9 ± 2.4 vs 5.6 ± 2.3)及婚姻狀況 [已婚：80.3% (106人) vs 71.9% (82人)] 都相若。

研究顯示，111名便秘組的家屬及54名對照組的家屬患有便秘，即便秘組和對照組家屬中患有便秘的比例，分別佔16.4% (677人中的111人)和9.1% (591人中的54人)。

便秘組與對照組比較，便秘組病人有較多家庭成員患有便秘。有47%的便秘組病人有一位或以上家庭成員患有便秘，高於對照組的31.6%；而有兩位或以上家庭成員患有便秘的便秘組病

人比例則為27.3%，高於對照組的9.6%。上述結果顯示一個人的家庭中越多成員患有便秘，他患上便秘的風險亦越高。

結論

以上研究顯示，便秘問題是有家族集體性，一個人的家庭中越多成員患有便秘，他患上便秘的風險亦越高。這種情況的發生可能與遺傳基因、相似的生活習性和共同的生活環境有關。

香港大學臨床試驗 家族集體性便秘研究

香港大學正進一步研究家族集體性便秘問題，如閣下的家庭中有3位或以上的成員患有便秘，並有興趣參加這項研究，歡迎辦公時間內致電2855 4143或7778 4654，與梁小姐聯絡。